

NIMI	Jaak Vilo
TEADUSALA	Informaatika
UURIMISTÖÖ PEASUUNAD	Informaatika ja selle rakendused; bioinformaatika; meditsiini informaatika; andmekaeve
VALIMISAEG	2012
AKADEEMIA OSAKOND	Informaatika ja tehnikateaduste osakond
KONTAKTANDMED	Tartu ülikooli arvutiteaduse instituut Narva mnt 18, 51009 TARTU Telefon: 737 5483 E-post: jaak.vilo@ut.ee
SÜNNIAEG ja –KOHT	14. november 1966, Tallinn
TÖÖKOHT	Tartu ülikooli arvutiteaduse instituudi juhataja (alates 2011) Tartu ülikooli bioinformaatika professor (alates 2007)
HARIDUS	1984 Tallinna reaalkool 1991 Tartu ülikool, rakendusmatemaatika
TEADUSKRAAD	2002 filosoofiadoktor (arvutiteadus), Helsingi ülikool, teema: „Pattern Discovery from Biosequences“ [Mustrite otsimine bioloogilistest sekventsistest]
TEENISTUSKÄIK	1989–1990 Helsingi ülikooli arvutiteaduse instituudi õpetaja 1990–1991 TTÜ küberneetika instituudi insener 1991–1993 Helsingi ülikooli arvutiteaduse instituudi õpetaja 1993–1999 Helsingi ülikooli assistent 1999–2002 Euroopa bioinformaatika instituudi vanemteadur 2002–2006 EGen Inc informaatika direktor 2002–2006 Eesti biokeskuse erakorraline vanemteadur 2004–2005 Tartu ülikooli arvutiteaduse instituudi dotsent 2005–2007 samas vanemteadur 2006– ... OÜ Quretec juhatuse liige 2007– ... Tartu ülikooli arvutiteaduse instituudi bioinformaatika professor 2009– ... Tarkvara tehnoloogiate ja rakenduste arendamise keskuse (Tarkvara TAK) uurimissuuna juht 2011– ... Tartu ülikooli arvutiteaduse instituudi juhataja
TUNNUSTUSED	2013 Eesti Valgetähe III klassi teenetemärk 2014 Infotehnoloogia ettevõtete liidu (ITL) Aasta tegija 2013 2016 Tartu ülikooli väike medal 2020 ACM Senior liige 2020 Postimehe aasta 2020 Tartu ja Tartumaa mõjukaim inimene hariduse kategoorias

TEADUS-
ORGANISATSIOONILINE
ja –ADMINISTRATIIVNE
TEGEVUS

EESTIS:
2007– 2011 Riikliku programmi "Eesti keele keeletehnoloogilone tugi 2006-2010"
juhtkomitee esimees
2011– 2016 Riikliku programmi "Eesti keele tehnoloogia 2011-2017" juhtkomitee
esimees
2012–2018 Eesti teadusagentuur – hindamisnõukogu liige
2012– 2017 Tartu ülikooli senati liige
2008 – ...Tartu ülikooli teadusarvutuskeskuse nõukogu liige
2011– ... Eesti teadusarvutuste infrastruktuuri ETAIS nõukogu liige
2021 TÜ genoomika instituudi nõukogu liige
TÜ loodus-ja täppisteaduste nõukogu liige
ELIXIR-Eesti juht

MUJAL:
1991– ... Association for Computing Machinery (ACM) liige
2000– ... Rahvusvahelise Bioinformaatika Seltsi ISCB liige
2006– ... European Conference on Computational Biology (ECCB) juhtkomitee liige
2018–... Informatics Europe juhatuse liige
2019–... EMBL nõukogu liige

TEGEVUS TEADUSLIKE
VÄLJAANNETE
TOIMETUSTES

EESTIS:

MUJAL:
2014-... ajakirja "Baltic Journal of Modern Computing" kaas-peatoimetaja
ajakirjade *Bioinformatics*, *NAR*, *BMC Systems Biology*, *BMC Bioinformatics*, jt
eelretsensent

JUHENDAMISEL
KAITSTUD
VÄITEKIRJAD

DOKTORITÖÖD (nimi, aasta, töö pealkiri, kus kaitstud):

Reimand, J. 2010. Functional analysis of gene lists, networks and regulatory systems
[Geenigruppide, võrgustike ja reguleerivate süsteemide funktsionaalne analüüs],
Tartu Ülikool.

Kull, M. 2011. Statistical enrichment analysis in algorithms for studying gene
regulation [Statistilise rikastatuse analüüs geeniregulatsiooni uurimiseks loodud
algoritmides], Tartu Ülikool.

Kolde, R. 2014. Methods for re-using public gene expression data [Meetodid avalike
geeniexpressiooni andmete taaskasutamiseks], Tartu Ülikool.

Adler, P. 2015. (kaasjuh. Juhan Sedman). Analysis and visualisation of large scale
microarray data (Paljude mikrokiibi andmestike suuremahuline analüüsimine ja
visualiseerimine). Tartu Ülikool.

Peterson, H. 2015. (kaasjuh. Juhan Sedman). Exploiting high-throughput data for
establishing relationships between genes (Suuremahuliste andmete kasutamine

geenidevaheliste seoste leidmiseks). Tartu Ülikool.

Ilmjärv, S. 2015. (kaasjuh. Eero Vasar, Hendrik Luuk). Estimating differential expression from multiple indicators (Diferentsiaalse geeniekspressiooni erinevuste hindamine mitmete indikaatorite alusel). Tartu Ülikool.

Metsalu, T. 2016. Statistical analysis of multivariate data in bioinformatics (Mitmemõõtmeliste andmete statistiline analüüs bioinformaatikas). Tartu Ülikool.

Leontjeva, A. 2017. (kaasjuh. Marlon Dumas). Using Generative Models to Combine Static and Sequential Features for Classification (Generatiivsete mudelite kasutamine staatiliste ja jadatunnuste kombineerimiseks klassifitseerimise eesmärgil). Tartu Ülikool.

Reisberg, S. 2019, (juh) Jaak Vilo, Developing Computational Solutions for Personalized Medicine (Arvutuslikud meetodid personaalmeditsiini arendamiseks), Tartu Ülikool, Loodus- ja täppisteaduste valdkond, arvutiteaduse instituut.

Tasa, T. 2019, (juh) Jaak Vilo; Lili Azin Milani; Tuuli Metsvaht. Bioinformatics Approaches in Personalised Pharmacotherapy (Bioinformaatika meetodid personaalses farmakoterapias). Tartu Ülikool, Loodus- ja täppisteaduste valdkond, arvutiteaduse instituut.

Sügis, E. 2019. (juh) Jaak Vilo; Hedi Peterson. Integration Methods for Heterogeneous Biological Data (Mitmekesiste bioloogiliste andmete ühendamine ja analüüs). Tartu Ülikool, Loodus- ja täppisteaduste valdkond, arvutiteaduse instituut.

Modhukur, V. 2019. (juh) Jaak Vilo; Balaji Rajashekar. Profiling of DNA Methylation Patterns as Biomarkers of Human Disease (Haiguste ja koespetsiifiliste DNA metüülatsioonil põhinevate biomarkerite uurimine). Tartu Ülikool, Loodus- ja täppisteaduste valdkond, arvutiteaduse instituut.

Pormeister, K. 2020. (juh) Irene Kull; Jaak Vilo; Katrin Õunap; Barbara Evans. Transparency in Relation to the Data Subject in Genetic Research - an Analysis on the Example of Estonia (Geeniuringute läbipaistvus andmesubjekti suhtes - Eesti näitel põhinev analüüs). Tartu Ülikool, Sotsiaalteaduste valdkond, õigusteaduskond.

Lepik, K. 2021. (juh) Jaak Vilo; Hedi Peterson. Inferring Causality Between Transcriptome and Complex Traits (Haiguspõhjuslike geenide tuvastamine statistiliste meetoditega). Tartu Ülikool, Loodus- ja täppisteaduste valdkond, arvutiteaduse instituut.

MAGISTRITÖÖD (ainult juhendatute arv): 15

PUBLIKATSIOONID

TEADUSARTIKLID (üldarv üle 140)

3 patentset leiutist