

NIMI	Jaak Vilo
TEADUSALA	Informaatika
UURIMISTÖÖ PEASUUNAD	Informaatika ja selle rakendused; bioinformaatika; meditsiini informaatika; andmekaeve
VALIMISAEG	2012
AKADEEMIA OSAKOND	Informaatika ja tehnikateaduste osakond
KONTAKTANDMED	Tartu ülikooli arvutiteaduse instituut Narva mnt 18, 51009 TARTU Telefon: 737 5483 Faks: 737 5468 E-post: jaak.vilo@ut.ee
SÜNNIAEG ja –KOHT	14. november 1966, Tallinn
TÖÖKOHT	Tartu ülikooli arvutiteaduse instituudi juhataja (alates 2011) Tartu ülikooli bioinformaatika professor (alates 2007)
HARIDUS	1984 Tallinna reaalkool 1991 Tartu ülikool, rakendusmatemaatika
TEADUSKRAAD	2002 filosoofiadoktor (arvutiteadus), Helsingi ülikool, teema: „Pattern Discovery from Biosequences“ [Mustrite otsimine bioloogilistest sekvensidest]
TEENISTUSKÄIK	1989–1990 Helsingi ülikooli arvutiteaduse instituudi õpetaja 1990–1991 TTÜ küberneetika instituudi insener 1991–1993 Helsingi ülikooli arvutiteaduse instituudi õpetaja 1993–1999 Helsingi ülikooli assistent 1999–2002 Euroopa bioinformaatika instituudi vanemteadur 2002–2006 EGeen Inc informaatika direktor 2002–2006 Eesti biokeskuse erakorraline vanemteadur 2004–2005 Tartu ülikooli arvutiteaduse instituudi dotsent 2005–2007 samas vanemteadur 2006– ... OÜ Quretec juhatuse liige 2007– ... Tartu ülikooli arvutiteaduse instituudi bioinformaatika professor 2009– ... Tarkvara tehnoloogia ja rakenduste arendamise keskuse (Tarkvara TAK) uurimissuuna juht 2011– ... Tartu ülikooli arvutiteaduse Instituudi juhataja
TUNNUSTUSED	2013 Eesti Valgetähe III klassi teenetemärk 2014 Infotehnoloogia ettevõtete liidu (ITL) Aasta tegija 2013 2016 Tartu ülikooli väike medal

TEADUS-
ORGANISATSIOONILINE
ja –ADMINISTRATIIVNE
TEGEVUS

EESTIS:

2007– 2011 Riikliku programmi "Eesti keele keeletehnoloogilone tugi 2006-2010" juhtkomitee esimees

2011– 2016 Riikliku programmi "Eesti keele tehnoloogia 2011-2017" juhtkomitee esimees

2012–2018 Eesti teadusagentuur – hindamisnõukogu liige

2012– 2017 Tartu ülikooli senati liige

2008 – ...Tartu ülikooli teadusarvutuskeskuse nõukogu liige

2011– ... Eesti teadusarvutuste infrastruktuuri ETAIS nõukogu esimees

MUJAL:

1991– ... Association for Computing Machinery (ACM) liige

2000– ... Rahvusvahelise Bioinformaatika Seltsi ISCB liige

2006– ... European Conference on Computational Biology (ECCB) juhtkomitee liige

2018–... Informatics Europe juhatuse liige

2019–... EMBL nõukogu liige

TEGEVUS TEADUSLIKE
VÄLJAANNETE
TOIMETUSTES

EESTIS:

MUJAL:

2014–... ajakirja "Baltic Journal of Modern Computing" kaas-peatoimetaja
ajakirjade *Bioinformatics*, *NAR*, *BMC Systems Biology*, *BMC Bioinformatics*, jt
eelretsensent

JUHENDAMISEL
KAITSTUD
VÄITEKIRJAD

DOKTORITÖÖD (nimi, aasta, töö pealkiri, kus kaitstud):

Reimand, J. 2010. Functional analysis of gene lists, networks and regulatory systems [Geenigruppide, võrgustike ja regulatoorsete süsteemide funktsionaalne analüüs], Tartu Ülikool.

Kull, M. 2011. Statistical enrichment analysis in algorithms for studying gene regulation [Statistilise rikastatuse analüüs geeniregulatsiooni uurimiseks loodud algoritmides], Tartu Ülikool.

Kolde, R. 2014. Methods for re-using public gene expression data [Meetodid avalike geeniekspressiooni andmete taaskasutamiseks], Tartu Ülikool.

Adler, P. 2015. (kaasjuh. Juhan Sedman). Analysis and visualisation of large scale microarray data (Paljude mikrokiibi andmestike suuremahuline analüüsimine ja visualiseerimine). Tartu Ülikool.

Peterson, H. 2015. (kaasjuh. Juhan Sedman). Exploiting high-throughput data for establishing relationships between genes (Suuremahuliste andmete kasutamine geenidevaheliste seoste leidmiseks). Tartu Ülikool.

Ilmjärv, S. 2015. (kaasjuh. Eero Vasar, Hendrik Luuk). Estimating differential expression from multiple indicators (Diferentsiaalse geeniekspressiooni erinevuste

hindamine mitmete indikaatorite alusel). Tartu Ülikool.

Metsalu, T. 2016. Statistical analysis of multivariate data in bioinformatics (Mitmemõõtmeliste andmete statistiline analüüs bioinformaatikas). Tartu Ülikool.

Leontjeva, A. 2017. (kaasjuh. Marlon Dumas). Using Generative Models to Combine Static and Sequential Features for Classification (Generatiivsete mudelite kasutamine staatiliste ja jadatunnuste kombineerimiseks klassifitseerimise eesmärgil). Tartu Ülikool.

Reisberg, S. 2019, (juh) Jaak Vilo, Developing Computational Solutions for Personalized Medicine (Arvutuslikud meetodid personaalmeditsiini arendamiseks), Tartu Ülikool, Loodus- ja täppisteaduste valdkond, arvutiteaduse instituut.

MAGISTRITÖÖD (ainult juhendatute arv): 15

PUBLIKATSIOONID

TEADUSARTIKLID (üldarv üle 70)